

International

&gt;&gt; Recherche

&gt;&gt; L'AUTEUR

Valérie DUPHOT

Rédactrice permanente de La Dépêche Vétérinaire

## Grippe A/H1N1 : l'origine du virus est connue, publie *Nature*

La génomique a permis de définir la généalogie du virus influenza A/H1N1 responsable de la pandémie actuelle, révèle le magazine *Nature*\*. Une équipe internationale de chercheurs a tracé les origines de ce virus, qui sont à la fois eurasienne et nord-américaine. Selon Gavin J.D. Smith et coll., l'ancêtre commun à la lignée virale actuelle remonte à une période de 9 à 17 ans. Ces chercheurs attribuent le développement de ce virus au manque de surveillance systématique des diverses lignées virales lors des dernières années.

### Présence confirmée de précurseurs porcins

Leur analyse montre que chaque segment du génome du virus de l'influenza A/H1N1 est compris dans une lignée bien établie de grippe porcine qui existe depuis plus de dix ans. Soulignant les carences dans la surveillance de cette lignée virale, les chercheurs estiment que ses gènes de polymérase semblent issus d'un triple réassortiment de gènes aviaires, humains et porcins circulant chez les porcs en Amérique du Nord.

Ils indiquent que certains segments de gènes sont issus de lignées H1N1 porcines eurasiennes proches des virus aviaires.

L'identification de segments de gènes déjà mis en évidence en 2004 dans des isolats corrobore la présence de précurseurs porcins dans le génome du virus de l'influenza A/H1N1. Elle suggère aussi une large distribution géographique du virus mais exclut une origine entièrement eurasienne.

L'analyse de chaque gène du virus permet d'évaluer la date d'apparition de la lignée épidémique actuelle entre 9,2 et 17,2 ans.

### Des lacunes dans la détection

Selon les chercheurs, c'est à cette période que remonte le virus porcine le plus proche. Ils regrettent que les ancêtres du virus de l'influenza A/H1N1 aient circulé dans le monde sans être détectés, ni échantillonnés, pendant une dizaine d'années.

L'équipe de chercheurs estime que le virus, résultant d'un réassortiment ancien, a circulé discrètement entre les porcs pendant des années. D'après eux, la filiation directe de ce virus remonte à janvier 2009, au plus tôt à août 2008. Le virus A/H1N1 semble donc suivre la même voie évolutive que les virus à l'origine des trois pandémies grippales du XX<sup>e</sup> siècle, qui résultaient de réassortiments de virus humains et porcins et avaient émergé des années avant ces pandémies. ■

\* *Nature* édition en ligne, 16 juin 2009, Origins and evolutionary genomics of the 2009 swine-origin H1N1 influenza A epidemic, site Internet : <http://www.nature.com/nature/journal/vnfv/ncurrent/abs/nature08182.html> et le Quotidien du médecin n° 8589 du 15 juin 2009.